Buongiorno,

ecco i codici che ho usato per il file del covid:

library(janitor)

library(tidyverse)

library(readr)

covid <- read\_csv("corsoR/covid.csv")

covid = clean\_names(covid)

covid %>%

  group\_by(anno) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(reparto) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(anno, reparto) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(provincia) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

unique(covid$prova)

covid %>%

  group\_by("SARS-CoV-2: agente eziologico", anno, reparto) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(anno, prova) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(materiale) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(materiale) %>%

  summarise(tot\_materiale = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(comune) %>%

  summarise(tot\_comune = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(conferente) %>%

  summarise(tot\_conferente = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

covid %>%

  group\_by(anno, conferente) %>%

  summarise(tot\_esami = sum(tot\_eseguiti, na.rm = T))

f